

# Supplementary figure 3 (Ikeda Y et al)

Gene	Amino acid size	Number of rare variants		Odds ratio	P-value	Samples													
		Cases	Controls			1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14
<i>HLA-DRB1</i>	266	9	13	9.0	1.0E-05														
<i>HLA-DRB5</i>	266	12	0	311.3	1.0E-05														
<i>LYZL2</i>	194	8	8	13.0	1.0E-05														
<i>MLL3</i>	4911	27	47	7.5	1.0E-05														
<i>PABPC1</i>	636	42	26	21.1	1.0E-05														
<i>PABPC3</i>	631	15	14	13.9	1.0E-05														
<i>PPIAL4G</i>	164	7	0	181.4	1.0E-05														
<i>PRSS3</i>	304	12	5	31.1	1.0E-05														
<i>TPSAB1</i>	275	4	1	51.8	2.0E-05														
<i>ZNF141</i>	474	13	7	24.1	1.0E-05														
<i>ZNF699</i>	642	5	2	32.4	1.0E-05														
<i>PARP4</i>	1724	6	15	5.2	1.0E-05														
<i>PSME4</i>	1843	7	9	10.1	1.0E-05														
<i>REG3A</i>	175	4	2	25.9	1.0E-05														
<i>SPATA31E1</i>	1445	6	16	4.9	2.0E-05														
<i>ZNF600</i>	722	4	3	17.3	1.0E-05														
<i>ZNF727</i>	499	4	3	17.3	4.0E-05														
<i>TNK2</i>	1038	6	3	25.9	1.0E-05														
<i>FAM8A1</i>	413	6	0	155.4	4.0E-05														
<i>MUC17</i>	4493	19	73	3.4	3.0E-05														
<i>VSIG8</i>	414	3	1	38.8	2.0E-04														
<i>SIRPA</i>	504	4	5	10.4	1.0E-04														
<i>ZNF664-FAM101A</i>	135	3	1	38.8	1.0E-04														
<i>ZNF700</i>	745	4	6	8.6	1.0E-04														
<i>TUBB8</i>	444	3	2	19.4	4.0E-04														
<i>TYRO3</i>	890	3	2	19.4	3.0E-04														
<i>DVL1</i>	670	4	8	6.5	3.0E-04														
<i>CDC34</i>	236	3	3	12.9	5.0E-04														
<i>PTK2</i>	1052	5	10	6.5	7.0E-04														
<i>HIST1H2BE</i>	126	2	0	51.8	8.0E-04														
<i>MDC1</i>	2089	2	12	7.6	1.0E-03														
<i>NSUN4</i>	384	2	0	51.8	1.0E-03														
<i>BARD1</i>	777	2	0	51.8	1.0E-03														
<i>HID1</i>	788	2	0	51.8	9.0E-04														

 Mutation